

Luca Visentin

+39 340 978 6674 | luca.visentin@unito.it | linktr.ee/MrHedmad | github.com/MrHedmad

EDUCAZIONE

Laurea Magistrale in Biologia Cellulare e Molecolare

Curriculum Neurobiologico: biologia cellulare del cervello, genetica avanzata.

Tesi: Modelling the evolution of somatic mutations in cancer.

Università di Torino

Sett. 2018 - Luglio 2021

Laurea Triennale in Scienze Biologiche

Biologia cellulare, fisiologia umana, immunologia, genetica.

Tesi: L'immunoterapia - una nuova frontiera per il trattamento del cancro.

Università di Torino

Sett. 2015 - Luglio 2018

Diploma in Biotechnologie Sanitarie

Igiene alimentare, chimica, microbiologia applicata.

IIS A. Gobetti Marchesini

Sep. 2010 - July 2015

ESPERIENZA

Dottorando in Complex systems for Quantitative Biomedicine

Università di Torino

Nov. 2022 - Presente

Torino, Italia

- Sviluppato un database auto-rigenerante basato su dati recuperati da remoto sui trasportatori di membrana
- Sviluppato varie pipeline di analisi per dati di espressione genica per ottenere insight biologico
- Amministrazione di attività di gruppo come lab meeting, onboarding e offboarding di nuovi collaboratori, piattaforme di comunicazione di gruppo, etc
- Implementazione di metodologie pratiche per produzione di dati FAIR e in generale di Open Science nel gruppo di ricerca

Collaboratore alla Ricerca

Università di Torino, DBIOS, Laboratorio di Fisiologia

Ago. 2021 - Ott. 2022

Torino, Italia

- Sviluppo di software per l'analisi di dati
- Analisi di dati genomici complessi con molteplici variabili sperimentali
- Collaborazione in progetti di gruppo e sviluppo di piattaforme di collaborazione

ULTIME PUBBLICAZIONI

- **Review:** "The Emerging Concept of the Transportome: State of the Art", *Physiology*, 2023, <https://doi.org/10.1152/physiol.00010.2023>
- **Data Report:** "Transcriptomic data of bevacizumab-adapted colorectal adenocarcinoma cells HCT-116", *Data in Brief*, 2023, <https://doi.org/10.1016/j.dib.2023.109069>
- **Articolo in Rivista:** "BioTEA: containerized methods of analysis for microarray-based transcriptomics data", *Biology*, 2022, <https://doi.org/10.3390/biology11091346>
- **Articolo in Rivista:** "The Transcriptional Landscape of BRAF Wild-Type Metastatic Melanoma: A Pilot Study", *International Journal of Molecular Sciences*, 2022, <https://doi.org/10.3390/ijms23136898>
- **Articolo in Rivista:** "TRPM8-Rap1A Interaction Sites as Critical Determinants for Adhesion and Migration of Prostate and other Epithelial Cancer Cells", *Cancers*, 2022, <https://doi.org/10.3390/cancers14092261>

Lista di pubblicazioni completa: <https://orcid.org/0000-0003-2568-5694>

SKILL

Linguaggi di Programmazione: Python, R, Rust, SQL (SQLite)

Librerie: Dplyr, Pandas, Numpy, ggplot2, DeSeq2, Pytest, Venv

Tool di Sviluppo: Git, Github, Github Actions, Docker, pip, Podman, Cargo, Vim, Neovim